

Sprechstunde  
jederzeit nach  
Vereinbarung und  
nach der Vorlesung

Wallstr. 3, 6. Stock,  
Raum 06-206



# Mathematische und statistische Methoden I

## Dr. Malte Persike



[persike@uni-mainz.de](mailto:persike@uni-mainz.de)



[lordsofthebortz.de](http://lordsofthebortz.de)



[twitter.com/methodenlehre](https://twitter.com/methodenlehre)



[tinyurl.com/gplusmethodenlehre](http://tinyurl.com/gplusmethodenlehre)

## WiSe 2011/2012

Fachbereich Sozialwissenschaften  
Psychologisches Institut  
Johannes Gutenberg Universität Mainz

Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße & Ergebnistab.

Plots



# Varianzanalyse

## Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Hat das Treatment **keinen Effekt**, so sind Unterschiede zwischen Mittelwerten der Treatmentstufen rein zufällig

	$A_1$	...	$A_p$	
$B_1$	$\mu + a_1 + b_1 + a_1 b_1 + e_{1,1,1}$	...	$\mu + a_p + b_1 + a_p b_1 + e_{1,1,p}$	$\bar{B}_1$
	...	...	...	
$B_q$	$\mu + a_1 + b_q + a_1 b_q + e_{1,q,1}$	...	$\mu + a_p + b_q + a_p b_q + e_{1,q,p}$	$\bar{B}_2$
	...	...	...	
	$\mu + a_1 + b_q + a_1 b_q + e_{nq1,q,1}$	...	$\mu + a_p + b_q + a_p b_q + e_{nqp,q,p}$	
Mittelwert:	$\bar{A}_1$	...	$\bar{A}_p$	

Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

⊕ Hat das Treatment **keinen Effekt**, so sind Unterschiede zwischen Mittelwerten der Treatmentstufen rein zufällig

⊕ Die Streuung der Stufenmittelwerte kann dann nur aus der Fehlerstreuung entstehen. Es muss gelten:

$$s_{Treat}^2 \hat{=} s_{Fehler}^2$$

⊕ **Ansatz:** Wenn man also feststellt, dass die Streuung der Stufenmittelwerte **deutlich größer** ist als die Fehlerstreuung, kann die Fehlerstreuung allein nicht mehr für die Streuung der Stufenmittelwerte verantwortlich sein

⊕ Das Treatment hat dann einen **Effekt**, es gibt also **systematische Unterschiede** zwischen den Stufenmittelwerten



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ **Problem:** Diese Logik von Fehler- und Treatmentstreuung ist nur dann hilfreich, wenn sie nicht nur für alle Treatmentstufen gemeinsam, sondern **individuell für jedes Treatment bzw. die Interaktion** gilt.
- ⊕ **Denn:** Ziel der ANOVA ist das Treffen separater Aussagen über die Wirkung der einzelnen Treatments.
- ⊕ **Ansatz:** Es ist zu zeigen, dass die Streuung der Stufenmittelwerte des Faktors  $A$  nicht auch von einem möglichen Effekt des Faktors  $B$  oder der Interaktion  $AB$  abhängt.
- ⊕ Diesen Beweis liefert die **Quadratsummenzerlegung** in der Varianzanalyse



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Exakt wie in der Multiplen Regression wird von der **Streuung aller Daten** um den Mittelwert ausgegangen.
- ⊕ Der **Mittelwert aller Daten (Grand Mean)**

$$\bar{x} = \frac{1}{n \cdot p \cdot q} \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q x_{ikj} = G = \bar{G}$$

wird in der ANOVA oft als **G** oder **G quer** bezeichnet

- ⊕ Deren Streuung, ausgedrückt als Quadratsumme ist

$$QS_{Tot} = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (x_{ikj} - \bar{G})^2$$



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Man könnte statt der **Quadratsumme** auch die **Varianz** betrachten, hätte aber lediglich den zusätzlichen Faktor  $1/N$  bzw.  $1/n \cdot p \cdot q$  in voriger Gleichung
- ⊕ Mit dem **linearen Modell der ANOVA** wird daraus

$$QS_{Tot} = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (\mu + a_j + b_k + a_j b_k + e_{ikj} - \bar{G})^2$$

indem einfach der Messwert jeder Person  $x_{ikj}$  durch die Modellgleichung ersetzt wird

- ⊕ Diese Quadratsumme repräsentiert die **gesamte Streuung in den Daten** um den gemeinsamen Mittelwert aller Daten



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße & Ergebnistab.

Plots

# Varianzanalyse

## Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Die Aufteilung der Streuung in Fehler- und Treatment-streuung läuft nun darauf hinaus zu verstehen, wie sich die Gesamtstreuung der Daten





$$\text{Datenstreuung: } QS_{Tot} = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (\mu + a_j + b_k + a_j b_k + e_{ikj} - \bar{G})^2$$


zerlegen lässt in



 = Fehlerstreuung

 = Treatment-streuung B

 = Treatment-streuung A

 = Treatment-streuung A x B



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße & Ergebnistab.

Plots



# Varianzanalyse

## Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ **Problem:**  $a_j$  und  $b_k$  und  $a_j b_k$  und  $e_{ijk}$  und  $\mu$  sind unbekannt.
- ⊕ Man kann aber aus den Daten andere, inhaltlich ähnliche Kennzahlen berechnen.

	$A_1$	...	$A_p$	
$B_1$	$\mu + a_1 + b_1 + a_1 b_1 + e_{1,1,1}$	...	$\mu + a_p + b_1 + a_p b_1 + e_{1,1,p}$	$\bar{B}_1$
	...	...	...	
	$\mu + a_1 + b_1 + a_1 b_1 + e_{n_{11},1,1}$	...	$\mu + a_p + b_1 + a_p b_1 + e_{n_{1p},1,p}$	
$B_q$	$\mu + a_1 + b_q + a_1 b_q + e_{1,q,1}$	...	$\mu + a_p + b_q + a_p b_q + e_{1,q,p}$	$\bar{B}_2$
	...	...	...	
	$\mu + a_1 + b_q + a_1 b_q + e_{n_{q1},q,1}$	...	$\mu + a_p + b_q + a_p b_q + e_{n_{qp},q,p}$	

Mittelwert:  $\bar{A}_1$  ...  $\bar{A}_p$  Gesamtmittel  $\bar{x}$  oder  $\bar{G}$



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ So muss für den Mittelwert aller Personen in einer Faktorstufe des Faktors  $A$  gelten:

$$\bar{A}_j = \frac{1}{n \cdot q} \sum_{i=1}^n \sum_{k=1}^q (\mu + a_j + b_k + a_j b_k + e_{ikj})$$

- ⊕ Und ebenso für die Stufenmittelwerte des Faktors  $B$ :

$$\bar{B}_k = \frac{1}{n \cdot p} \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p (\mu + a_j + b_k + a_j b_k + e_{ikj})$$

- ⊕ Und natürlich auch für die Zellmittelwerte:

$$\overline{A_j B_k} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n (\mu + a_j + b_k + a_j b_k + e_{ikj})$$



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Für den Gesamtmittelwert aller Personen gilt zudem

$$\bar{G} = \frac{1}{n \cdot p \cdot q} \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (\mu + a_j + b_k + a_j b_k + e_{ikj})$$

- ⊕ Diese Gleichungen kann man nach den bekannten Termen  $\bar{G}$ ,  $\bar{A}_j$ ,  $\bar{B}_k$ ,  $\bar{A}_j \bar{B}_k$  **umformen** und in die Gleichung der Quadratsumme **einsetzen**
- ⊕ Nach weiteren Umformungen erhält man eine Gleichung, die zeigt, dass sich die gesamte Quadratsumme tatsächlich aufteilen lässt in **unabhängige Quadratsummen** für die Treatments und den Fehler.



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots



## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

⊕ Es zeigt sich nämlich, dass gilt:

$$QS_{Tot} = QS_{TreatA} + QS_{TreatB} + QS_{TreatA \times B} + QS_{Fehler}$$

⊕ Gesamte QS:

$$QS_{Tot} = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (x_{ikj} - \bar{G})^2$$

QS Treatment A:

(q = Treat.stufen von B)

$$QS_{TreatA} = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (\bar{A}_j - \bar{G})^2$$

QS Treatment B:

(p = Treat.stufen von A)

$$QS_{TreatB} = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (\bar{B}_k - \bar{G})^2$$

QS Fehler:

(p = Treat.stufen von A)

$$QS_{Fehler} = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (x_{ikj} - \overline{A_j B_k})^2$$

Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

⊕ Gäbe es keine Interaktion, so sollte man annehmen, dass die beiden Faktoren additiv zusammenwirken.

⊕ Dann sollte gelten:  $\overline{A_j B_k}' = \bar{A}_j + \bar{B}_k - \bar{G}$

⊕ Der Grand Mean muss einmal subtrahiert werden, da er in beiden Stufenmittelwerten enthalten ist

⊕ Die Differenz dieser beiden Terme ist dann die **Interaktionswirkung** (i.e. der nicht-additive Teil des gemeinsamen Effektes von A und B.

$$QS_{A \times B} = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q \left( \overline{A_j B_k} - \overline{A_j B_k}' \right)^2$$

$$\text{mit } \overline{AB}'_{jk} = \bar{A}_j + \bar{B}_k - \bar{G}$$



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Zurückkehrend zur Ausgangsidee sollte man nun vermuten, dass **kein Effekt eines Treatments** dazu führt, dass die Streuung zwischen seinen Stufenmittelwerten ähnlich hoch ist wie die Fehlerstreuung

Also:  $QS_{TreatA} \stackrel{\wedge}{=} QS_{Fehler}$  wenn Faktor A keinen Effekt hat

- ⊕ **Aber:** Es kann gezeigt werden, dass die Quadratsummen zuvor transformiert werden müssen, damit der Vergleich stimmt
- ⊕ Diese transformierten Quadratsummen werden als **Populationsvarianzen** bezeichnet



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots



## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Die Berechnung der **Populationsvarianzen** erfordert statt des – bei der Varianzberechnung üblichen – Terms  $1/n$  andere Nenner.
- ⊕ Statt des  $n$  werden die so genannten **Freiheitsgrade** ( $df$ , degrees of freedom) eingesetzt.

⊕ Es gilt:

$$df_{Tot} = n \cdot p \cdot q - 1$$

$$df_{TreatA} = p - 1$$

$$df_{TreatB} = q - 1$$

$$df_{TreatA \times B} = (p - 1) \cdot (q - 1)$$

$$df_{Fehler} = p \cdot q \cdot (n - 1)$$

Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Zweifaktorielle ANOVA

⊕ Damit werden die Populationsvarianzen berechnet als

$$\hat{\sigma}_{Tot}^2 = \frac{QS_{Tot}}{df_{tot}} = \frac{\sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (x_{ikj} - \bar{G})^2}{n \cdot p \cdot q - 1}$$

$$\hat{\sigma}_{TreatA}^2 = \frac{QS_{TreatA}}{df_{TreatA}} = \frac{\sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (\bar{A}_j - \bar{G})^2}{p - 1}$$

$$\hat{\sigma}_{TreatB}^2 = \frac{QS_{TreatB}}{df_{TreatB}} = \frac{\sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (\bar{B}_k - \bar{G})^2}{q - 1}$$



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Zweifaktorielle ANOVA

⊕ Damit werden die Populationsvarianzen berechnet als

$$\hat{\sigma}_{A \times B}^2 = \frac{QS_{A \times B}}{df_{A \times B}} = \frac{\sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (\overline{A_j B_k} - \overline{A_j B_k}')^2}{(p-1) \cdot (q-1)}$$

$$\hat{\sigma}_{Fehler}^2 = \frac{QS_{Fehler}}{df_{Fehler}} = \frac{\sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^p \sum_{k=1}^q (x_{ikj} - \overline{A_j B_k})^2}{p \cdot q \cdot (n-1)}$$





Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnistab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Mit den Populationsvarianzen stimmt die zuvor angenommene Beziehung

- ⊕ Ohne Effekt eines Treatments kann die Streuung der Stufenmittelwerte nur aus der Fehlerstreuung entstehen.

$$\hat{\sigma}_{Treat}^2 \hat{=} \hat{\sigma}_{Fehler}^2 \Rightarrow \frac{\hat{\sigma}_{Treat}^2}{\hat{\sigma}_{Fehler}^2} \approx 1$$

- ⊕ Daraus konstruiert man die **Prüfgröße**

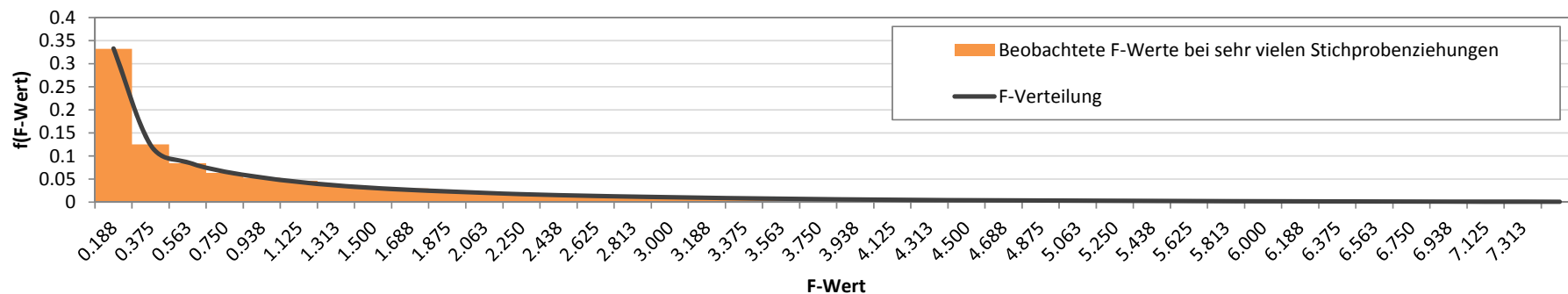
$$F = \frac{\hat{\sigma}_{Treat}^2}{\hat{\sigma}_{Fehler}^2}$$

- ⊕ Sie ist **F-verteilt** mit  $df_{Treat} = p-1$  Zählerfreiheitsgraden und  $df_{Fehler} = p \cdot (n-1)$  Nennerfreiheitsgraden.

- ⊕ Aus der F-Verteilung kann die **Wahrscheinlichkeit**  $p(F)$  für das Auftreten dieser Prüfgröße ermittelt werden



- ⊕ **Grundfrage:** Ist die Streuung der Mittelwerte zwischen Treatmentstufen hoch genug, damit statistisch behauptet werden kann, dass sie nicht mehr auf zufälligen Unterschieden aufgrund der Stichprobenziehung beruhen kann?
- ⊕ Dazu muss bekannt sein, in welchem Bereich die Streuung der Mittelwerte zwischen Treatmentstufen **typischerweise** läge, wenn in Wahrheit keine Treatmentwirkung besteht.
- ⊕ Die Statistik beantwortet dies „typischerweise“ mithilfe einer **Prüfgröße**.
- ⊕ Aus Treatment- und Fehlerstreuung wird eine solche **Prüfgröße F** errechnet, deren zufällige Schwankungen bekannt sind, weil sie der **F-Verteilung** folgen.
- ⊕ Ein zu unwahrscheinlicher F-Wert belegt Unterschiede zwischen Treatmentstufen



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

**Prüfgröße &  
Ergebnstab.**

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Man berechnet also zunächst die **Prüfgröße  $F$**
- ⊕ Die F-Verteilung gibt nun an, welche **Wahrscheinlichkeit  $p(F)$**  das Auftreten der Prüfgröße hat unter der Annahme, dass Treatmentvarianz und Fehlervarianz gleich sind.
- ⊕ Ist diese Wahrscheinlichkeit **zu klein**, so muss es Einflüsse auf die Treatmentstreuung geben, die nicht auf die Fehlerstreuung zurückzuführen sind.
- ⊕ Diese Einflüsse können nur durch das Treatment hervorgerufen werden, es hat also eine Wirkung.
- ⊕ Das bedeutet gleichzeitig, dass die Mittelwerte der Treatmentstufen systematisch unterschiedlich sind (dieser Unterschied erzeugt gerade die Treatmentstreuung).



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Ist die berechnete Wahrscheinlichkeit  $p(F)$  also zu klein, gibt es Unterschiede in den Stufenmittelwerten.
- ⊕ **Problem:** Wie klein ist „zu unwahrscheinlich“?
- ⊕ Es gibt hier Konventionen, die so genannten **Signifikanzniveaus:**

$\alpha \geq 0.05$  → statistisch nicht signifikant

$\alpha < 0.05$  → statistisch signifikant

$\alpha < 0.01$  → statistisch hochsignifikant



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

Beobachtung im Experiment:  $\hat{\sigma}_{Treat}^2$  und  $\hat{\sigma}_{Fehler}^2$

Frage: Sind die Varianzen in Wahrheit gleich?

Geht die Streuung der Mittelwerte der Treatmentstufen nur auf die Fehlerstreuung zurück?

(1) Festlegung eines Signifikanzniveaus  $\alpha$



(2) Berechnung der Prüfgröße für jeden Faktor:  $F_A, F_B, F_{A \times B}$   
deren Häufigkeitsverteilung theoretisch bekannt ist (F-Verteilung)



(3) Berechnung der Wahrscheinlichkeit für  
diese Prüfgröße:  $p(F_A), p(F_B), p(F_{A \times B})$



(4) Rückschluss:  $p(F) = p(\hat{\sigma}_{Treat}^2 \approx \hat{\sigma}_{Fehler}^2)$



(5) Vergleich von  $p$  mit  $\alpha$  und  
Treffen der Signifikanzaussage

**Aber:** Bei dieser Aussage irrt man sich mit einer Wahrscheinlichkeit von  $\alpha \cdot 100\%$



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

**Prüfgröße &  
Ergebnstab.**

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

⊕ Man erstellt folgende Ergebnistabelle

Faktor	QS	df	Var	F	p
A	399.410	3	133.137	16.456	0.000
B	27.503	1	27.503	3.400	0.070
A×B	2157.628	3	719.209	88.898	0.000
Fehler	517.778	64	8.090		
Total	3102.319	71	43.695		

⊕ Zusätzlich ist zu empfehlen, die Varianzaufklärung der Treatments zu bestimmen.

⊕ Diese bezeichnet den Anteil an der Gesamtstreuung, für den das Treatment verantwortlich ist.



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Ein-/Mehrfaktorielle ANOVA (ANalysis Of VAriance)

- ⊕ Die Varianzaufklärung in der ANOVA wird als  $\eta^2$  (eta<sup>2</sup>) bezeichnet und prinzipiell berechnet als:

$$\eta_{Treat}^2 = \frac{QS_{Treat}}{QS_{Tot}}$$

mit  $QS_{Treat} = QS_A$  oder  $QS_B$  oder  $QS_{A \times B}$

- ⊕ Ebenso ist die nicht aufgeklärte Varianz zu bestimmen als der Anteil der verbleibenden Fehlerstreuung an der Gesamtstreuung, also:

$$\eta_{Fehler}^2 = \frac{QS_{Fehler}}{QS_{Tot}}$$



Streuungs-  
vergleich

QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

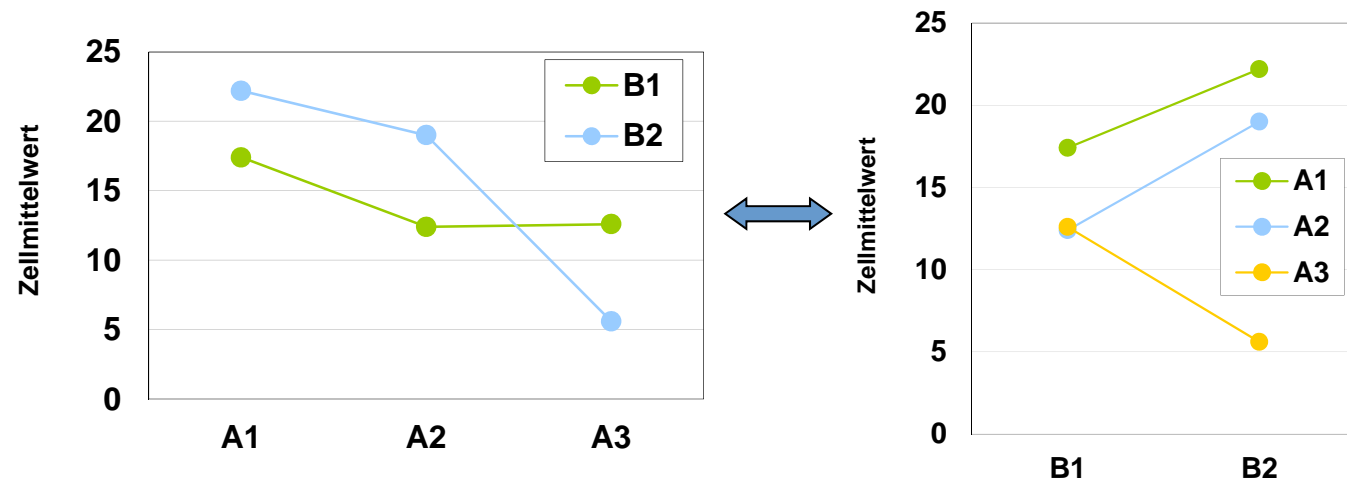
Plots



## Varianzanalyse

### Zweifaktorielle ANOVA – Interaktionsplots

- ⊕ Zur Veranschaulichung der Effekte bei der mehrfaktoriellen ANOVA werden **Interaktionsplots** verwendet.
- ⊕ Sie enthalten die Informationen der Zellmittelwerte für zwei Faktoren
- ⊕ Für solche Plots existieren immer zwei mögliche Darstellungen





Streuungs-  
vergleich

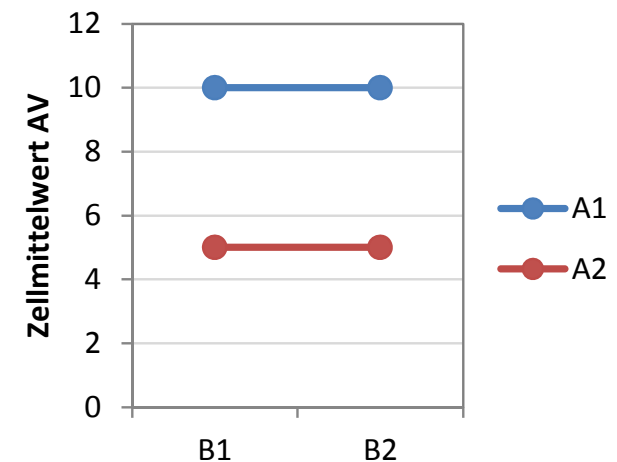
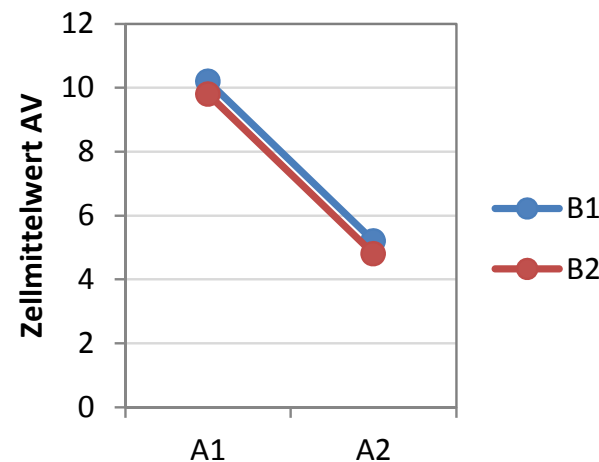
QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Zweifaktorielle ANOVA – typische Effekte



- ⊕ Effekt auf Faktor A, kein Effekt auf Faktor B, keine Interaktion zwischen A und B.



Streuungs-  
vergleich

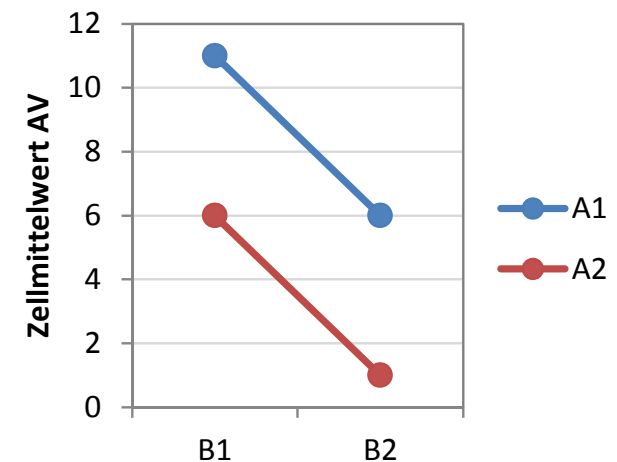
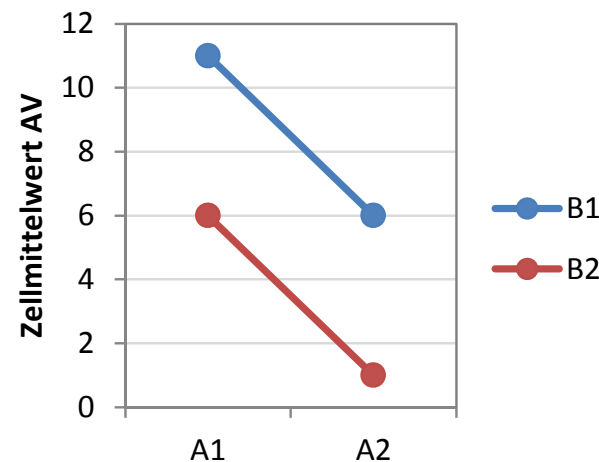
QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Zweifaktorielle ANOVA – typische Effekte



- ⊕ Effekt auf Faktor A, Effekt auf Faktor B, keine Interaktion zwischen A und B.



Streuungs-  
vergleich

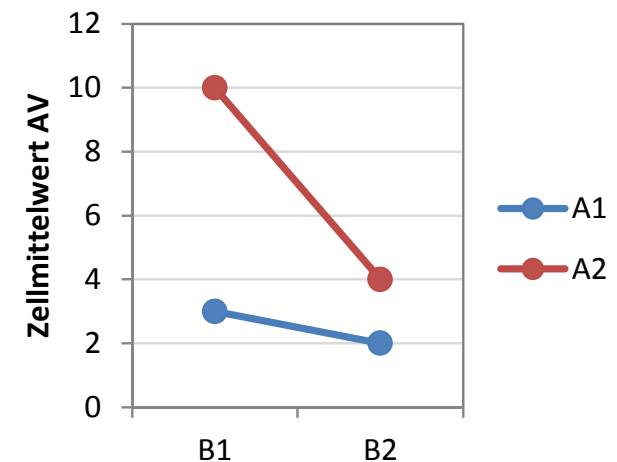
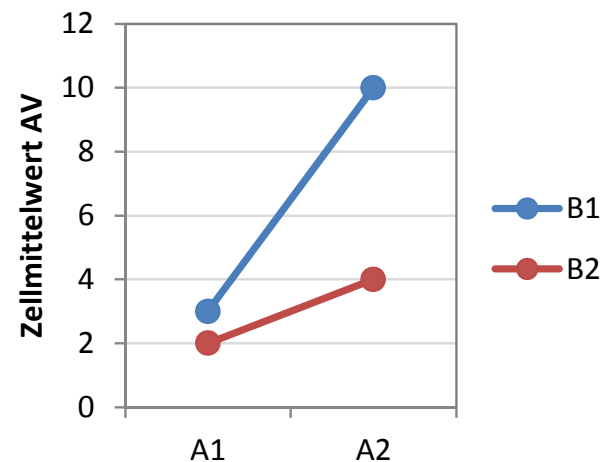
QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Zweifaktorielle ANOVA – typische Effekte



- ⊕ Effekt auf Faktor A, Effekt auf Faktor B, Interaktion zwischen A und B ► **ordinal**, da sich die Geraden auch im Gegenplot nicht schneiden.



Streuungs-  
vergleich

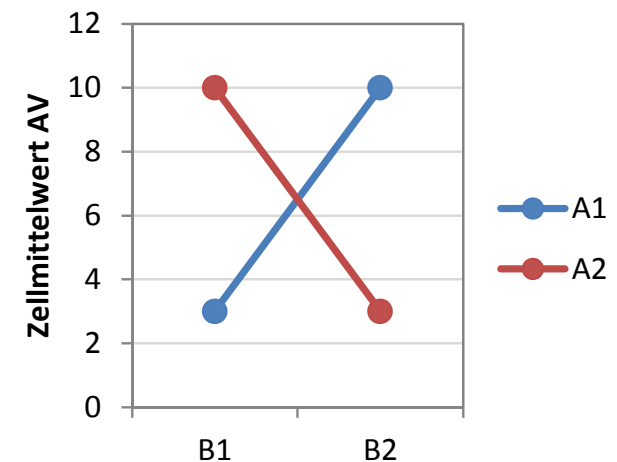
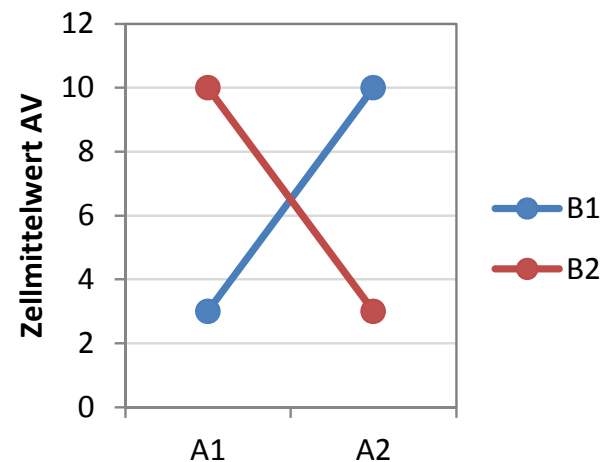
QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Zweifaktorielle ANOVA – typische Effekte



- ⊕ Kein Effekt auf Faktor A, kein Effekt auf Faktor B, Interaktion zwischen A und B ► **disordinal**, da sich die Geraden auch im Gegenplot schneiden.



Streuungs-  
vergleich

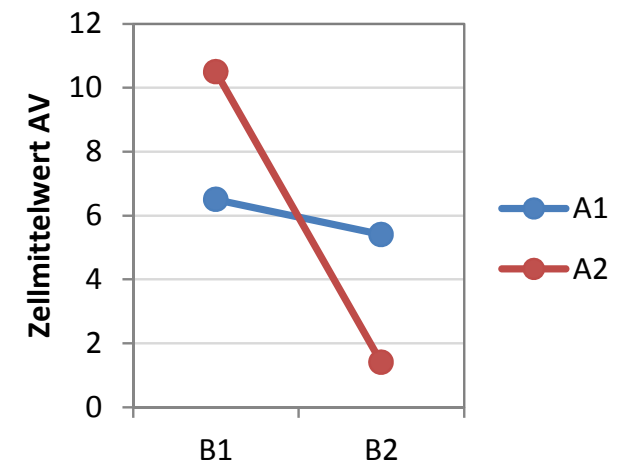
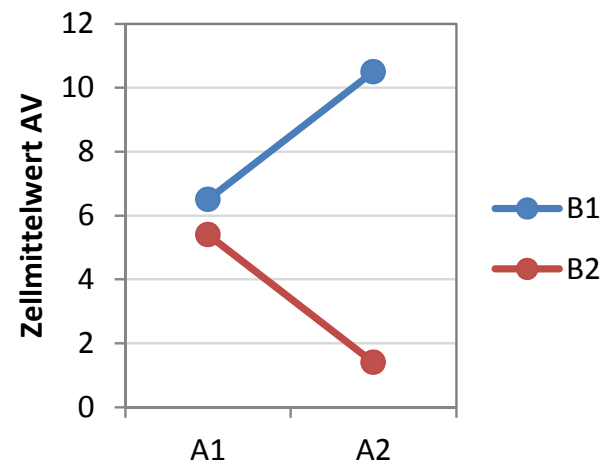
QS-Zerlegung

Prüfgröße &  
Ergebnstab.

Plots

## Varianzanalyse

### Zweifaktorielle ANOVA – typische Effekte



- ⊕ Kein Effekt auf Faktor A, großer Effekt auf Faktor B, Interaktion ► **hybrid**, da sich die Geraden im Gegenplot schneiden.

